

Area di Ricerca Innovazioni Gestionali, Diagnostiche e Percorsi Clinici  
Responsabile dell'Unità di Ricerca Patologia Molecolare Predittiva: Dr. Rita Alaggio

Progetto: Ministero della Salute, Ex Direzione generale della ricerca ed innovazione in sanità, Dipartimento della prevenzione, della ricerca e delle emergenze sanitarie del Ministero della salute, Piano Nazionale di Ripresa e Resilienza (PNRR) Missione 6 - Componente 2 - Investimento 2.1 Valorizzazione E Potenziamento Della Ricerca Biomedica Del SSN finanziato dall'Unione europea – NextGenerationEU

CUP E83C24000800006

Roma, 29 gennaio 2025

OGGETTO: Relazione di infungibilità prodotti AGILENT TECHNOLOGIES ITALIA SRL

Materiale richiesto:

1. G9993A - **SureSelect XT HS2 RNA Reagent Kit with Index Primer Pairs 1-96, 96 Reactions:** prodotto per la preparazione delle librerie a RNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro RNA-Seq è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione dell'espressione genica.
2. G9994A - **SureSelect XT HS2 RNA Target Enrichment Kit, 12 Hybs:** prodotto per la preparazione delle librerie a RNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro RNA-Seq è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione dell'espressione genica.
3. 5191-6877 - **SureSelect XT HS PreCap Human All Exon V8 (12 Hybs):** prodotto per la preparazione delle librerie a DNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro WES è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione genica.
4. 5500-0149 - **SureSelect cDNA Module (Pre PCR), 96 Reactions):** prodotto per la preparazione delle librerie a DNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro WES è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione genica.
5. 5191-4080 - **SureSelect Enzymatic Fragmentation Kit (96 reactions):** prodotto per la preparazione delle librerie a DNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro WES è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione genica.
6. G9984A - **SureSelect XT HS2 DNA Reagent Kit with AMPure® XP/Streptavidin Bead (with Index Pairs 1-96):** prodotto per la preparazione delle librerie a DNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro WES è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione genica.
7. 5191-6874 - **SureSelect XT HS Human All Exon V8 (96 rnx):** fornisce la copertura completa e più aggiornata delle regioni codificanti proteine di RefSeq, CCDS e GENCODE. Copre anche il promotore TERT e gli esoni difficili da catturare che vengono omessi da altri esomi sul mercato. L'uso delle sonde V8 è vincolato al kit SSEL XT HS2


**Si riferisce un'infungibilità tecnica dei materiali sopra descritti, ai sensi dell'art. 76, comma 4 lett. b), per le seguenti motivazioni:**

Il sistema Agilent SureSelectXT si distingue per le sue capacità tecniche uniche e per il suo adattamento specifico a questo tipo di analisi:

- Elevata Sensibilità e Recupero degli acidi nucleici (DNA/RNA) degradati da FFPE
- Design di Sonde ad alta sensibilità e specificità di Target
- Ottimizzazione per Campioni FFPE
- Protocolli standardizzati e reagenti di alta qualità

Il sistema Agilent SureSelectXT rappresenta una soluzione tecnicamente infungibile per il sequenziamento di DNA/RNA da campioni FFPE. La sua combinazione di design delle sonde, ottimizzazione dei protocolli per acidi nucleici degradati e compatibilità con piattaforme NGS

garantisce risultati affidabili e riproducibili. Metodi generici di preparazione delle librerie per DNA/RNA degradato non raggiungono il livello di sensibilità e specificità necessario per il sequenziamento di campioni FFPE. L'utilizzo di SureSelectXT elimina la necessità di sviluppare protocolli personalizzati, riducendo tempi e costi operativi.

*Firma*  ANATOMIA PATOLOGICA  
Responsabile  
Prof.ssa Rita Alaggio

Responsabile di UNITÀ DI RICERCA Patologia Molecolare Predittiva  
Ospedale Pediatrico Bambino Gesù, Roma