

ATTO DI VALUTAZIONE DI CONGRUITA' TECNICA

1. Atto di valutazione di congruità tecnica presentata dalla Dott.ssa Sabina Barresi, con cui è stata esaminata la documentazione tecnica ed è stata valutata congrua l'offerta del 19/03/2025, presentata da Agilent Technologies Italia S.p.A., per l'importo di Euro 17.984,70 (diciasettemilanovecentottantaquattro/70) oltre IVA, ove dovuta, rispetto all'importo massimo della fornitura pari ad Euro 32.721,00 (trentaduemilasettecentoventuno/00) oltre Iva, ove dovuta.

2. Trattasi di documentazione relativa alla procedura negoziata senza previa pubblicazione di un bando di gara, ai sensi dell'art. 76, comma 4, lett. b) del d. lgs. n. 36/2023, della fornitura dei seguenti materiali consumabili:

1. **G9993A SureSelect XT HS2 RNA Reagent Kit with Index Primer Pairs 1-96, 96 Reactions:** prodotto per la preparazione delle librerie a RNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro RNA-Seq è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione dell'espressione genica.
2. **G9994A SureSelect XT HS2 RNA Target Enrichment Kit, 12 Hybs:** prodotto per la preparazione delle librerie a RNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro RNA-Seq è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione dell'espressione genica.
3. **5191-6877 SureSelect XT HS PreCap Human All Exon V8 (12 Hybs):** prodotto per la preparazione delle librerie a DNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro WES è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione genica.
4. **5500-0149 SureSelect cDNA Module (Pre PCR), 96 Reactions:** prodotto per la preparazione delle librerie a DNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro WES è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione genica.
5. **5191-4080 SureSelect Enzymatic Fragmentation Kit (96 reactions):** prodotto per la preparazione delle librerie a DNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro WES è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione genica.
6. **G9984A SureSelect XT HS2 DNA Reagent Kit with AMPure® XP/Streptavidin Bead (with Index Pairs 1-96):** prodotto per la preparazione delle librerie a DNA specifiche per il sequenziamento NGS. Questo flusso di lavoro WES è ottimizzato per campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina, e fornisce in modo efficace la profilazione genica.





7. **5191-6874 SureSelect XT HS Human All Exon V8 (96 rnx):** SureSelect Human All Exon V8 fornisce la copertura completa e più aggiornata delle regioni codificanti proteine di RefSeq, CCDS e GENCODE. Copre anche il promotore TERT e gli esoni difficili da catturare che vengono omessi da altri esomi sul mercato. L'uso delle sonde V8 è vincolato al kit SSEL XT HS2.

- CUP E83C24000800006

3. La fornitura in questione è finanziata con fondi PNRR NextGenerationEU, Missione 6 Componente 2, Investimento 2.1 del Piano Nazionale di Ripresa e Resilienza, relativo all'innovazione, alla ricerca e alla digitalizzazione del Sistema Sanitario Nazionale e al Potenziamento della Ricerca Biomedica, approvato con Decreto Direttoriale n. 27 del 2 novembre 2022 del Ministero della Salute, registrato con Visto n.1054 dall'Ufficio Centrale di Bilancio in data 18 novembre 2022;

4. Pertanto, per la formalizzazione dell'accordo quadro in questione, l'OPBG ha deciso di procedere in ottemperanza alle disposizioni del Decreto Legislativo 31 marzo 2023 n.36 e ss.mm.ii. e della normativa vigente in materia di appalti e contratti pubblici, nonché di quanto previsto dal D. L. 31 maggio 2021 n.77, convertito con modificazioni in Legge 29 luglio 2021 n.108;

5. La fornitura in questione ha ad oggetto l'acquisto di materiali consumabili indicati nel progetto della sezione Tumori Rari con codice WFR PNRR-TR1-2023-12377677, dal titolo "SAPERE. SARcomas in PEdiatric age, a molecular REgistry and network".

-Relazione Dott.ssa Sabina Barresi:

I prodotti in oggetto sono kit per la preparazione delle librerie RNA e DNA specifiche per il sequenziamento NGS, progettati per garantire un'elevata qualità dei dati anche a partire da campioni di scarsa qualità e quantità, come gli acidi nucleici estratti da campioni in paraffina (FFPE). Questo flusso di lavoro è ottimizzato per la profilazione molecolare accurata e lo studio dell'espressione genica, consentendo l'analisi dettagliata di trascritti con elevata sensibilità e riproducibilità.

Il SureSelect Human All Exon V8 offre la copertura più completa e aggiornata delle regioni codificanti proteine, integrando le informazioni dei database di riferimento RefSeq, CCDS e GENCODE. A differenza di altri pannelli sul mercato, questa soluzione include anche il promotore TERT e esoni difficili da catturare, migliorando l'accuratezza dell'analisi e ampliando le possibilità di indagine genomica.

L'utilizzo delle sonde V8 è strettamente vincolato al kit SureSelect XT HS2, progettato per garantire massima compatibilità e prestazioni ottimali. L'adozione di materiali non originali o non certificati potrebbe compromettere la qualità dei dati di



sequenziamento, introducendo bias analitici, ridotta efficienza di cattura degli esoni e possibili errori di quantificazione dell'espressione genica.

L'impiego di soluzioni alternative non garantirebbe la piena interoperabilità con il flusso di lavoro validato da Agilent, con il rischio di risultati non conformi agli standard richiesti, inefficienze sperimentali e potenziale necessità di ripetere gli esperimenti, con conseguenti sprechi di tempo e risorse.

Data 24/03/2025

Firma



